

FORMULARIO DE SOLICITUD DE SERVICIOS

Datos del Peticionario

Centro Solicitante		Fecha
Nombre y Apellidos		
Dirección		Correo Electrónico
Provincia	Código Postal	Teléfono

Datos Clínicos del Paciente

Nombre y Apellidos	Sexo	Edad
Diagnóstico		
Motivo de la Consulta	Resumen Hª Cª o Antecedentes	

Datos de Facturación y Forma de Pago

Entidad	
Dirección	NIF / CIF
Persona Autorizada	Correo Electrónico
Teléfono	
Firma Autorizada	

Estudio y Muestra

Tipo de estudio	
<input type="checkbox"/> Germinal	
<input type="checkbox"/> Somático	
Tipo de muestra	
<input type="checkbox"/> Sangre	Fecha de extracción (en caso de sangre o MO): _____
<input type="checkbox"/> Médula ósea (MO)	En tumores sólidos, indicar % de celularidad tumoral: _____
<input type="checkbox"/> ADN	
<input type="checkbox"/> FFPE*	(*): Adjuntar corte H&E, delimitando la región tumoral e informe anatomopatológico.

La muestra debe ir siempre acompañada de este formulario de solicitud y el correspondiente consentimiento informado. Este último documento puede descargarse en www.nlmgenetics.com. Solamente en el caso de que el consentimiento informado no acompañe a la muestra, marcar la siguiente casilla:

- Declaro que el paciente ha sido informado sobre la indicación, finalidad, características, alcance y limitaciones del estudio solicitado. El consentimiento informado asociado a esta prueba ha sido firmado por el paciente, quedando bajo la custodia del centro hospitalario o facultativo responsable.

Firma del facultativo responsable: _____

Datos de Contacto

NIMGenetics
Calle Faraday, 7 · 28049 Madrid
Tel. 918 047 760
contactoespecialistas@nimgenetics.com

Protección de datos y confidencialidad

Conforme a la Ley 41/2002 Reguladora de la Autonomía del Paciente y a la Ley 15/1999 de Protección de Datos de Carácter Personal, el peticionario debe disponer del consentimiento del paciente para llevar a cabo las pruebas diagnósticas solicitadas y para el tratamiento de sus datos. De este modo, y como información a facilitar al paciente, hemos de comunicarles que los datos recogidos en el presente formulario serán incorporados a un fichero automatizado de carácter confidencial, debidamente inscrito en la Agencia Española de Protección de Datos, conforme a los términos establecidos en la Ley 15/1999, cuya titularidad corresponde a NIMGenetics, S.L., con la finalidad de gestionar el estudio de diagnóstico en el formulario descrito, pudiendo ejercer el paciente en cualquier momento los derechos de acceso, rectificación, cancelación oposición, reconocidos por la citada normativa en materia de protección de datos de carácter personal, dirigiéndose a la siguiente dirección: NIMGENETICS, S.L., Genómica y Medicina, C/ Faraday, 7 28049 Madrid.

CÁNCER FAMILIAR

PANELES NGS

- OncoNIM® BRCA Prevent (ONC2006)
- OncoNIM® Cáncer colorrectal familiar (ONC2067)
- OncoNIM® Cáncer de endometrio familiar (ONC2069)
- OncoNIM® Cáncer de mama/ovario familiar (ONC2054)
- OncoNIM® Cáncer de próstata familiar (ONC2057)
- OncoNIM® Cáncer endocrino familiar (ONC2071)
- OncoNIM® Cáncer familiar específico KRAS y APC (ONC2070)
- OncoNIM® Cáncer gástrico familiar (ONC2055)
- OncoNIM® Cáncer pancreático familiar (ONC2068)
- OncoNIM® Cáncer tiroideo familiar (ONC2059)
- OncoNIM® Carcinoma paratiroideo familiar (ONC2060)
- OncoNIM® Carcinoma renal familiar (ONC2056)
- OncoNIM® Condrosarcoma familiar (ONC2066)
- OncoNIM® Feocromocitoma familiar (ONC2062)
- OncoNIM® Melanoma familiar (ONC2065)
- OncoNIM® Neoplasia endocrina múltiple familiar (ONC2058)
- OncoNIM® Neurofibromatosis (ONC2061)
- OncoNIM® Paraganglioma familiar (ONC2063)
- OncoNIM® Retrinoblastoma (ONC2064)

ARRAYS CGH

- KaryoNIM® Cáncer Familiar Mama y Ovario (ONC2002)
- KaryoNIM® Cáncer Familiar Cólón (ONC2003)
- KaryoNIM® Cáncer Familiar Endocrino (ONC1004)

MUTACIONES SOMÁTICAS

ESTUDIOS DE SECUENCIACIÓN

1. Paneles de NGS

- OncoNIM® Biomarker Colon y Pulmón (ONC4002)*
- OncoNIM® Biomarker Pulmón Fusiones (ONC4003)
- OncoNIM® Biomarker Colon y Pulmón + OncoNIM® Biomarker Pulmón Fusiones (ONC4001)*
- OncoNIM® Biomarker Amplio Espectro (ONC4005)
- OncoNIM® BRCA Prevent (ONC2006)

2. Mutaciones puntuales

- Secuenciación gen NTRK1 (ONC2090)
- Secuenciación gen APC (ONC4583)
- Secuenciación gen RET (ONC4582)
- Mutaciones RET exones 8, 10, 11, 13, 14, 15 y 16 (ONC4581)
- Mutaciones BRAF, codones 464, 466, 469, 600 (ONC4570)
- Mutaciones KRAS codones 12, 13 Y 61 (ONC4574)
- Mutaciones CXCR4 exón 1 (ONC4551)
- Mutaciones ETNK1 exón 3 (ONC4552)
- Mutaciones EGFR exones 18, 19, 20 Y 21 (ONC4572)
- RAS EXTENDED: mutación KRAS codones 59, 61, 117, 146 + + NRAS codones 12, 13, 59, 61, 117, 146 (ONC4576)

FISH

- FISH 1p/19q (ONC1065)
- FISH ALK (ONC1066)
- FISH reordenamiento ALK (ONC1052)
- FISH BRAF (ONC1077)
- FISH EGFR (7p) (ONC1062)
- FISH ERBB2 (Her2neu) (ONC1068)
- FISH EWSR1 (ONC1069)
- FISH FKHR (FOXO1A) (ONC1070)
- FISH FUS (ONC1071)
- FISH SYT (ONC1074)
- FISH Panel de Melanoma: RREB1, MYB, CCND1, CEP6 (ONC1067)

OTROS

- Inestabilidad de microsatélites, panel de Bethesda para síndrome de Lynch (ONC2101)
- LOH 10q23 (región PTEN) (ONC2102)
- LOH 1p/19q (ONC2103)
- Metilación promotor gen MGMT (ONC4575)
- Otra prueba (especificar) _____

OTROS (especificar/referencia*)

(*) Consulta nuestra amplia cartera de pruebas en www.nimgenetics.com

ESTUDIOS DE SECUENCIACIÓN

1. Mutaciones gen único

- | | | |
|---|--|---|
| <input type="checkbox"/> Mutación ABL p.T315I (ONC4533) | <input type="checkbox"/> Mutaciones CSNK1A1 (ONC4556) | <input type="checkbox"/> Mutaciones NRAS codones 12, 13, 58/59, 61, 117 Y 146 (ONC4577) |
| <input type="checkbox"/> Mutación BRAF p.V600E (ONC4545) | <input type="checkbox"/> Mutaciones FLT3 (ITD Y p.D835) (ONC4527) | <input type="checkbox"/> Mutaciones NRAS exones 2 y 3 (ONC4548) |
| <input type="checkbox"/> Mutación BTK exón 15 (p.C481S) (ONC4549) | <input type="checkbox"/> Mutaciones GATA 1 exón 2 (ONC4553) | <input type="checkbox"/> Mutaciones PDGFRA exones 10, 12, 14 Y 18 (ONC4578) |
| <input type="checkbox"/> Mutación CSF3R exón 14 (p.T618I) (ONC4535) | <input type="checkbox"/> Mutaciones IDH1 exón 4 (ONC4573) | <input type="checkbox"/> Mutaciones PIK3CA exones 9 Y 20 (ONC4579) |
| <input type="checkbox"/> Mutación IDH1 exón 4 (p.R132) (ONC4531) | <input type="checkbox"/> Mutaciones IDH2 exón 4-p.R140 y p.R172 (ONC4532) | <input type="checkbox"/> Mutaciones SETBP1 exón 3 (aminoácidos 575-908) (ONC4543) |
| <input type="checkbox"/> Mutación JAK2 exón 14 (p.V617F) (ONC4536) | <input type="checkbox"/> Mutaciones IKZF1 (ONC4555) | <input type="checkbox"/> Mutaciones SF3B1 exones 12-16 (ONC4541) |
| <input type="checkbox"/> Mutación MYD88 p.L265P (ONC4544) | <input type="checkbox"/> Mutaciones JAK2 exón 12 (ONC4537) | <input type="checkbox"/> Mutaciones SRSF2 exón 1 (ONC4560) |
| <input type="checkbox"/> Mutación NOTCH1 P2515fs*4 (ONC4550) | <input type="checkbox"/> Mutaciones KIT exones 8 Y 17 (ONC4526) | <input type="checkbox"/> Mutaciones TET2 exones 3-11 (ONC4561) |
| <input type="checkbox"/> Mutaciones ABL región quinasa (ONC4534) | <input type="checkbox"/> Mutaciones KRAS exones 2 y 3 (ONC4547) | <input type="checkbox"/> Mutaciones TP53 (ONC4580) |
| <input type="checkbox"/> Mutaciones APC (ONC4569) | <input type="checkbox"/> Mutaciones MPL exón 10 (ONC4540) Mutaciones MUTYH exones 7 y 13 (ONC4568) | <input type="checkbox"/> Mutaciones TP53 exones 3-10 (ONC4542) |
| <input type="checkbox"/> Mutaciones ASXL1 exón 13 (ONC4557) | <input type="checkbox"/> Mutaciones NMP triple negativos: MPL exones 3, 4, 5, 6 Y 12 y JAK2 exones 13 Y 15 (ONC4558) | |
| <input type="checkbox"/> Mutaciones BRAF exón 15 (ONC4546) | <input type="checkbox"/> Mutaciones NOTCH1 exones 26, 27 Y 34 (ONC4554) | |
| <input type="checkbox"/> Mutaciones CALR exón 9 (ONC4539) | <input type="checkbox"/> Mutaciones NPM1 exón 12 (ONC4529) | |
| <input type="checkbox"/> Mutaciones CEBPA bialélica (ONC4525) | | |
| <input type="checkbox"/> Mutaciones c-KIT exones 9, 11, 13 Y 17 (ONC4571) | | |

2. Paneles de NGS

- OncoNIM® Neoplasias Mieloides (ONC4101)
- OncoNIM® Mieloma Múltiple (ONC4102)
- OncoNIM® Leucemia Linfática Crónica (ONC2091)

3. Reordenamientos*

- | | |
|--|---|
| <input type="checkbox"/> Reordenamientos B: clonalidad IgH CDRII / CDRIII (ONC4520) | <input type="checkbox"/> Reordenamiento BCR/ABL (p190 y p210) (ONC4510) |
| <input type="checkbox"/> Reordenamientos B: clonalidad IgH FR1 / FR2 / FR3 (ONC4521) | <input type="checkbox"/> Reordenamiento E2A/PBX1 (ONC4510) |
| <input type="checkbox"/> Reordenamientos B: clonalidad IgK E IgL (ONC4522) | <input type="checkbox"/> Reordenamiento FIP1L1/PDGFR (ONC4514) |
| <input type="checkbox"/> Reordenamientos T: clonalidad TCRbeta (ONC4524) | <input type="checkbox"/> Reordenamiento MLL/AF4 (ONC4509) |
| <input type="checkbox"/> Reordenamientos T: clonalidad TCRgamma (ONC4523) | <input type="checkbox"/> Reordenamiento PDGFRB/ETV6 (ONC4515) |
| <input type="checkbox"/> Hipermutación somática del gen IgVH (ADN) (ONC4518) | <input type="checkbox"/> Reordenamiento PML/RARA (bcr1, bcr2 y bcr3) |
| <input type="checkbox"/> Hipermutación somática del gen IgVH (ARN) (ONC4519) | <input type="checkbox"/> Reordenamiento TEL/AML1 (ONC4508) |
| <input type="checkbox"/> Reordenamiento AML1/ETO | <input type="checkbox"/> Reordenamiento CFBF/MYH11 (tipo A, C y D) (ONC4505) |
| <input type="checkbox"/> Reordenamiento BCL1/JH (ONC4516) | <input type="checkbox"/> Múltiple LLA B (TEL/AML1, MLL/AF4, E2A/PBX1, BCR/ABL (ONC4507) |
| <input type="checkbox"/> Reordenamiento BCL2/JH (MBR/MCR) (ONC4517) | |

4. PCR Cuantitativa*

- Cuantificación ratio FLT3 (alelo ITD/alelo nativo) (ONC4528)
- Cuantitativa AML1/ETO (ONC4502)
- Cuantitativa BCR/ABL p190 (ONC4513)
- Cuantitativa BCR/ABL p210 (ONC4512)
- Cuantitativa expresión EVI1-D (ONC4564)
- Cuantitativa expresión WT1 (ONC4565)
- Cuantitativa mutación JAK2 exón 14 (p.V617F) (ONC4538)
- Cuantitativa mutación NPM1 tipo A exón 12 (ONC4530)

FISH

Reordenamientos

- Inversión 16 CFBF/MYH11 (ONC1024)
- Reordenamiento BCL1 (CCND1) (ONC1057)
- Reordenamiento BCL2 (ONC1058)
- Reordenamiento IGH (ONC1043)
- Reordenamiento IGH/BCL2 (ONC1054)
- Reordenamiento MYC (ONC1055)
- Reordenamiento IGH/MYC (ONC1056)
- Reordenamiento NMYC (ONC1073)
- Reordenamiento PDGFB (ONC1072)
- Reordenamiento t(11;14) IGH/BCL1 (ONC1053)
- Reordenamiento t(12;21) ETV6/RUNX1 (ONC1022)
- Reordenamiento t(15;17) PML/RARA (ONC1021)
- Reordenamiento t(8;21) RUNX1/RUNX1T1 (ONC1023)
- Reordenamiento t(9;22) BCR/ABL (ONC1020)
- Reordenamientos BIRC3/MALT1 (ONC1060)
- Reordenamientos E2A (ONC1026)
- Reordenamientos FGFR1 (8p) (ONC1033)
- Reordenamientos IGH/CCND3 (ONC1049)
- Reordenamientos IGH/MAF (ONC1046)
- Reordenamientos IGH/MAFB (ONC1050)
- Reordenamientos MLL (ONC1025)
- Reordenamientos PDGFRA (ONC1031)
- Reordenamientos PDGFRB (ONC1032)
- Reordenamientos t(4;14) IGH/FGFR3 (ONC1047)
- Reordenamientos TCR a/d (ONC1061)

Duplicaciones/delecciones

- Amplificación/delección 1q/1p (ONC1044)
- Delección 20p13 (ONC1078)
- Delección 21q (ONC1064)
- Centrómero 12 (ONC1037)
- Centrómero 17 (ONC1042)
- Centrómero 8 (ONC1030)
- Delección 11q/17p (ONC1036)
- Delección 13q (13q14.3) (ONC1035)
- Delección 13q (13q34) (ONC1040)
- Delección 17p (ONC1041)
- Delección 20q (ONC1029)
- Delección 5q (ONC1028)
- Delección 7q (ONC1027)

Otros

- Panel LLC completo: del(13q), del(11q), del(17q), trisomía 12 (ONC1034)
- Panel MM completo: TP53, 1p/1q, IGH/FGFR3, IGH/MAF (ONC1038)
- Panel MM Hiperdiploidía: 5, 9, 15 (ONC1051)
- Panel MM1: TP53, IGH, 1p/1q (ONC1039)
- Panel MM2: IGH/FGFR3, IGH/MAF (ONC1045)
- Panel MM3: IGH/CCND3, IGH/MAFB (ONC1048)

CARIOTIPO BANDAS G (ONC1001)

- Médula ósea Sangre

ARRAY CGH

- KaryoNIM® Leukemia (ONC1003)

OTROS

- Quimerismo Pre-Trasplante (ONC4566)
- Quimerismo Post-Trasplante (MO;SP:fracción CD3 y fracción CD15+ (ONC4567)

(*) Para aquellas pruebas basadas en secuenciación de ARN, sólo si se envía la muestra en forma de ARN extraído, es necesario mantener en hielo seco y realizar el transporte en menos de 24 horas.

Para más información, contacte con nosotros en contactoespecialistas@nimgenetics.com