

FORMULÁRIO DE REQUISIÇÃO DE SERVIÇOS

Dados do Requiritante

Centro Requiritante		Data
Nome e Apellidos		
Morada		Correio Electrónico
Localidade	Código Postal	Telefone

Dados Clínicos do Paciente

Nome e Apellidos		Género	Idade
Diagnóstico			
Motivo da Consulta		Resumo H ^a C ^a ou Antecedentes	

Dados de Facturação Forma de Pagamento

Entidade	
Morada	NIF / CC
Pessoa Autorizada	Correio Electrónico
Telefone	
Assinatura Autorizada	

Estudo e Amostra

Tipo de estudo

- Germinativo
 Somático

Tipo de amostra

- Sangue
 Médula óssea (MO)
 ADN
 FFPE*
 Saliva

Data de colheita (no caso de sangue ou MO): _____

Em tumores sólidos, indicar % de celularidade tumoral: _____

(*): Juntar corte H&E, delimitando a região tumoral e relatório anatomopatológico.

A amostra deve ser sempre acompanhada deste formulário de requisição e do correspondente consentimento informado. Este último documento pode ser descarregado em www.nlmgenetics.com. Apenas no caso do consentimento informado não acompanhar a amostra, assinala a opção seguinte:

- Declaro que o paciente foi informado sobre a indicação, finalidade, características, alcance e limitações do estudo solicitado. O consentimento informado associado a este estudo foi assinado pelo paciente, ficando sob a custódia do centro hospitalar ou médico responsável.

Assinatura do médico responsável: _____

Dados de Contacto

Sara Vaz 964 024 731
Andreia Ferreira 964 023 333

Proteção de dados e confidencialidade

Conforme a Lei 41/2002 Reguladora de la Autonomía del Paciente y a la Ley 15/1999 de Protección de Datos de Carácter Personal, o médico requirante deve ter o consentimento do paciente para realizar os estudos de diagnóstico solicitados e tratamento dos seus dados. Deste modo e como informação que deve ser fornecida ao paciente, comunicámos que os dados recolhidos no presente formulário serão incorporados num ficheiro automático confidencial, devidamente inscrito na Agencia Española de Protección de Datos conforme estabelecido por lei, cuja titularidade pertence à NIMGenetics, S.L., com o intuito de realizar o estudo de diagnóstico descrito. O paciente pode, a qualquer momento, exercer os seus direitos de acesso, retificação, cancelamento e oposição, reconhecidos pela normativa de proteção de dados citada, dirigindo-se à seguinte direção: NIMGENETICS, S.L., Genómica y Medicina, C/ Faraday, 7 28049 Madrid.

CÁNCER FAMILIAR

PAINEIS NGS

- OncoNIM® BRCA1/2 Prevent (SEQ1081)
- NIMSeq® Cancro colo-retal familiar (SEQ1065)
- NIMSeq® Cancro do endometrio familiar (SEQ1067)
- NIMSeq® Cancro da mama/ovario familiar (SEQ1052)
- NIMSeq® Cancro da próstata familiar (SEQ1055)
- NIMSeq® Cancro endocrino familiar (SEQ1069)
- NIMSeq® Cancro familiar específico KRAS y APC (SEQ1068)
- NIMSeq® Cancro gástrico familiar (SEQ1053)
- NIMSeq® Cancro pancreático familiar (SEQ1066)
- NIMSeq® Cancro da tiroide familiar (SEQ1057)
- NIMSeq® Carcinoma paratireoideo familiar (SEQ1058)
- NIMSeq® Carcinoma renal familiar (SEQ1054)
- NIMSeq® Condrossarcoma familiar (SEQ1064)
- NIMSeq® Feocromocitoma familiar (SEQ1060)
- NIMSeq® Melanoma familiar (SEQ1063)
- NIMSeq® Neoplasia endocrina múltipla familiar (SEQ1056)
- NIMSeq® Neurofibromatosis (SEQ1059)
- NIMSeq® Paraganglioma familiar (SEQ1061)
- NIMSeq® Retrinoblastoma (SEQ1062)

ARRAYS CGH

- KaryoNIM® Câncer Familiar Mama y Ovario (ONC2002)
- KaryoNIM® Câncer Familiar Colon (ONC2003)
- KaryoNIM® Câncer Familiar Endocrino (ONC1004)

MUTAÇÕES SOMÁTICAS

ESTUDOS DE SEQUENCIAÇÃO

1. Painéis NGS

- OncoNIM® Biomarker Colon e Pulmão (ONC4002)*
- OncoNIM® Biomarker Pulmão Fusões (ONC4003)
- OncoNIM® Biomarker Colon e Pulmão + OncoNIM® Biomarker Pulmão Fusões (ONC4001)*
- OncoNIM® Biomarker Amplo Espectro (ONC4005)
- OncoNIM® BRCA 1/2 Prevent (SEQ1081)

2. Mutações pontuais

- Sequenciação do gene NTRK1 (ONC2090)
- Sequenciação do gene APC (ONC4583)
- Sequenciação do gene RET (ONC4582)
- Mutações RET exões 8, 10, 11, 13, 14, 15 e 16 (ONC4581)
- Mutações BRAF, codões 464, 466, 469, 600 (ONC4570)
- Mutações KRAS codões 12, 13 e 61 (ONC4574)
- Mutações CXCR4 exão 1 (ONC4551)
- Mutações ETNK1 exão 3 (ONC4552)
- Mutações EGFR exões 18, 19, 20 e 21 (ONC4572)
- RAS EXTENDED: mutação KRAS codões 59, 61, 117, 146 + + NRAS, codões 12, 13, 59, 61, 117, 146 (ONC4576)

FISH

- FISH 1p/19q (ONC1065)
- FISH ALK (ONC1066)
- FISH reordenamiento ALK (ONC1052)
- FISH BRAF (ONC1077)
- FISH EGFR (7p) (ONC1062)
- FISH ERBB2 (Her2neu) (ONC1068)
- FISH EWSR1 (ONC1069)
- FISH FKHR (FOXO1A) (ONC1070)
- FISH FUS (ONC1071)
- FISH SYT (ONC1074)
- FISH Painel de Melanoma: RREB1, MYB, CCND1, CEP6 (ONC1067)

OUTROS

- Instabilidade de microsátélites, painel de Bethesda para síndrome de Lynch (ONC2101)
- LOH 10q23 (região PTEN) (ONC2102)
- LOH 1p/19q (ONC2103)
- Metilação promotor gene MGMT (ONC4575)
- Outro estudo (especificar) _____

- OUTROS (especificar/REFERENCIA*)

(*) Consulte a nossa ampla lista de estudos em www.nimgenetics.com/pt-pt

ESTUDOS DE SEQUENCIAÇÃO

1. Mutações gene único

- Mutações *ABL* p.T315I (ONC4533)
- Mutações *BRAF* p.V600E (ONC4545)
- Mutações *BTK* exão 15 (p.C481S) (ONC4549)
- Mutações *CSF3R* exão 14 (p.T618I) (ONC4535)
- Mutações *IDH1* exão 4 (p.R132) (ONC4531)
- Mutações *JAK2* exão 14 (p.V617F) (ONC4536)
- Mutações *MYD88* p.L265P (ONC4544)
- Mutações *NOTCH1* P2515fs*4 (ONC4550)
- Mutações *ABL* região quinase (ONC4534)
- Mutações *APC* (ONC4569)
- Mutações *ASXL1* exón 13 (ONC4557)
- Mutações *BRAF* exón 15 (ONC4546)
- Mutações *CALR* exón 9 (ONC4539)
- Mutações *CEBPA* bialélica (ONC4525)
- Mutações c-KIT exões 9, 11, 13 e 17 (ONC4571)
- Mutações *CSNK1A1* (ONC4556)
- Mutações *FLT3* (ITD Y p.D835) (ONC4527)
- Mutações *GATA 1* exão 2 (ONC4553)
- Mutações *IDH1* exão 4 (ONC4573)
- Mutações *IDH2* exão 4-p.R140 y p.R172 (ONC4532)
- Mutações *IKZF1* (ONC4555)
- Mutações *JAK2* exão 12 (ONC4537)
- Mutações *KIT* exões 8 Y 17 (ONC4526)
- Mutações *KRAS* exões 2 y 3 (ONC4547)
- Mutações *MPL* exão 10 (ONC4540)
- Mutaciones *MUTYH* exões 7 e 13 (ONC4568)
- Mutações *NMP* triple negativos: *MPL* exones 3, 4, 5, 6 e 12 e *JAK2* exones 13 e 15 (ONC4558)
- Mutações *NOTCH1* exões 26, 27 e 34 (ONC4554)
- Mutações *NPM1* exão 12 (ONC4529)

- Mutações *NRAS* codões 12, 13, 58/59, 61, 117 e 146 (ONC4577)
- Mutações *NRAS* exões 2 e 3 (ONC4548)
- Mutações *PDGFRA* exões 10, 12, 14 e 18 (ONC4578)
- Mutações *PIK3CA* exões 9 e 20 (ONC4579)
- Mutações *SETBP1* exón 3 (aminoácidos 575-908) (ONC4543)
- Mutações *SF3B1* exões 12-16 (ONC4541)
- Mutações *SRSF2* exão 1 (ONC4560)
- Mutações *TET2* exões 3-11 (ONC4561)
- Mutações *TP53* (ONC4580)
- Mutações *TP53* exões 3-10 (ONC4542)

2. Painéis NGS

- OncoNIM® Neoplasias Mieloides (ONC4101)
- OncoNIM® Mieloma Múltiplo (ONC4102)
- OncoNIM® Leucemia Linfática Crônica (ONC2091)

3. Rearranjos*

- Reordenamientos B: clonalidad IgH *CDRII* / *CDRIII* (ONC4520)
- Reordenamientos B: clonalidad IgH *FR1* / *FR2* / *FR3* (ONC4521)
- Reordenamientos B: clonalidad *IgK* e *IgL* (ONC4522)
- Reordenamientos T: clonalidad *TCRbeta* (ONC4524)
- Reordenamientos T: clonalidad *TCRgamma* (ONC4523)
- Hipermutación somática del gen *IgVH* (ADN) (ONC4518)
- Hipermutación somática del gen *IgVH* (ARN) (ONC4519)
- Reordenamiento *AML1/ETO*
- Reordenamiento *BCL1/JH* (ONC4516)
- Reordenamiento *BCL2/JH* (*MBR/MCR*) (ONC4517)
- Reordenamiento *BCR/ABL* (p190 y p210) (ONC4510)
- Reordenamiento *E2A/PBX1* (ONC4510)
- Reordenamiento *FIP1L1/PDGFR* (ONC4514)
- Reordenamiento *MLL/AF4* (ONC4509)
- Reordenamiento *PDGFRB/ETV6* (ONC4515)
- Reordenamiento *PML/RARA* (bcr1, bcr2 y bcr3)
- Reordenamiento *TEL/AML1* (ONC4508)
- Reordenamiento *CBFB/MYH11* (tipo A, C y D) (ONC4505)
- Múltiple LLA B (*TEL/AML1, MLL/AF4, E2A/PBX1, BCR/ABL*) (ONC4507)

4. PCR Quantitativo (RT_PCR)*

- Quantificação ratio *FLT3* (alelo ITD/alelo nativo) (ONC4528)
- Quantificação *AML1/ETO* (ONC4502)
- Quantificação *BCR/ABL* p190 (ONC4513)
- Quantificação *BCR/ABL* p210 (ONC4512)
- Quantificação da expressão *EVI1-D* (ONC4564)
- Quantificação da expressão *WT1* (ONC4565)
- Quantificação da mutação *JAK2* exão 14 (p.V617F) (ONC4538)
- Quantificação da mutação *NPM1* tipo A exão 12 (ONC4530)

FISH

Rearranjos

- Inversão 16 *CBFB/MYH11* (ONC1024)
- Rearranjo *BCL1* (CCND1) (ONC1057)
- Rearranjo *BCL2* (ONC1058)
- Rearranjo *IGH* (ONC1043)
- Rearranjo *IGH/BCL2* (ONC1054)
- Rearranjo *MYC* (ONC1055)
- Rearranjo *IGH/MYC* (ONC1056)
- Rearranjo *NMYC* (ONC1073)
- Rearranjo *PDGFB* (ONC1072)
- Rearranjo t(11;14) *IGH/BCL1* (ONC1053)
- Rearranjo t(12;21) *ETV6/RUNX1* (ONC1022)
- Rearranjo t(15;17) *PML/RARA* (ONC1021)
- Rearranjo t(8;21) *RUNX1/RUNX1T1* (ONC1023)
- Rearranjo t(9;22) *BCR/ABL* (ONC1020)
- Rearranjo *BIRC3/MALT1* (ONC1060)
- Rearranjo *E2A* (ONC1026)
- Rearranjos *FGFR1* (8p) (ONC1033)
- Rearranjos *IGH/CCND3* (ONC1049)
- Rearranjos *IGH/MAF* (ONC1046)
- Rearranjos *IGH/MAFB* (ONC1050)
- Rearranjos *MLL* (ONC1025)
- Rearranjos *PDGFRA* (ONC1031)
- Rearranjos *PDGFRB* (ONC1032)
- Rearranjos t(4;14) *IGH/FGFR3* (ONC1047)
- Rearranjos *TCR a/d* (ONC1061)

Duplicações/deleções

- Duplicação/deleção 1q/1p (ONC1044)
- Deleção 20p13 (ONC1078)
- Deleção 21q (ONC1064)
- Centrómero 12 (ONC1037)
- Centrómero 17 (ONC1042)
- Centrómero 8 (ONC1030)
- Deleção 11q/17p (ONC1036)
- Deleção 13q (13q14.3) (ONC1035)
- Deleção 13q (13q34) (ONC1040)
- Deleção 17p (ONC1041)
- Deleção 20q (ONC1029)
- Deleção 5q (ONC1028)
- Deleção 7q (ONC1027)

Outros

- Painel LLC completo: del(13q), del(11q), del(17q), trissomia 12 (ONC1034)
- Painel MM completo: *TP53*, 1p/1q, *IGH/FGFR3*, *IGH/MAF* (ONC1038)
- Painel MM Hiperdiploidia: 5, 9, 15 (ONC1051)
- Painel MM1: *TP53*, *IGH*, 1p/1q (ONC1039)
- Painel MM2: *IGH/FGFR3*, *IGH/MAF* (ONC1045)
- Painel MM3: *IGH/CCND3*, *IGH/MAFB* (ONC1048)

CARIOTIPO BANDAS G (ONC1001)

- Médula óssea Sangue

ARRAY CGH

- KaryoNIM® Leukemia (ONC1003)

OUTROS

- Quimerismo pré-Transplante (ONC4566)
- Quimerismo pós-Transplante (MO;SP: fração CD3 y fração CD15+ (ONC4567)

(*) Para os estudos baseadas em sequenciação de RNA, **só se aceitam amostra na forma de RNA extraído, sendo necessário manter em gelo seco e efetuar o transporte em menos de 24 horas.**

Para mais informação, contacte contactoespecialistas@nimgenetics.com