

DADOS DO SOLICITANTE

Nome e Apelido:	
Centro Solicitante:	
Unidade/Departamento:	
Telefone:	E-mail:

N.º DE ORÇAMENTO
N.º PROJETO INT.

TIPO DE AMOSTRA

<input type="checkbox"/> DNA	<input type="checkbox"/> FFPE
<input type="checkbox"/> RNA Total	<input type="checkbox"/> Sangue EDTA
<input type="checkbox"/> Biblioteca	<input type="checkbox"/> Tecido Congelado
<input type="checkbox"/> Outros (especificar): _____	

INFORMAÇÃO DO PROJETO

Número de amostras:	
Breve descrição do projeto:	
Tipo de estudo	<input type="checkbox"/> Germinal <input type="checkbox"/> Somático (indicar celularidade tumoral: _____ %)
Organismo de origem das amostras a estudo	<input type="checkbox"/> Humano <input type="checkbox"/> Murino <input type="checkbox"/> Outros (indicar espécie): _____

TIPO DE SERVIÇO SOLICITADO

 Genoma (WGS) Raw output ____ Gb / Profundidade* _____
 Metiloma (WGBS) Raw output ____ Gb / Profundidade* _____

 Exoma (WES)

<input type="checkbox"/> All Exome V6	<input type="checkbox"/> 8-10 Gb (~100x*)	<input type="checkbox"/> 18-20Gb (~200x*)
<input type="checkbox"/> Twist	<input type="checkbox"/> 3-4 Gb (~100x*)	<input type="checkbox"/> 7-8Gb (~200x*)
<input type="checkbox"/> Outro	Indicar painel de captura _____ Raw output ____ Gb / Profundidade* _____	

*Os valores de profundidade (x) são indicativos, pois são afetados por muitos fatores da amostra original e do desempenho da sequenciação.

 Transcriptoma (RNA-seq)

- Tipo de RNA-seq: PolyA (mRNA) Total Micro/small
- Milhões de leituras por amostra: 30M 50M 100M Outros: _____

 Bibliotecas

- Kit de construção da biblioteca: _____
- Tamanho médio da biblioteca (pico): _____ Output por pool (Gb): _____
- Kit de index: _____ Single-Index Dual-Index

 NovaSeq® 6000

- Tipo de Flow Cell: SP S2 XP-2-lane
 S1 S4 XP-4-lane
- Longitude leituras: _____

 MiniSeq®

- Tipo de Flow Cell: Mid-Output High-Output
- Longitude leituras: _____

 Sequenciação Sanger

- Enviem-se primers: Sim Não
- Longitude de leituras: _____

 Array CGH (Agilent) Stem Cells 180K Leukemia STR Outro: _____

 Genoma Óptico 120X 400X

 Single - Cell

- Target cell recovery: _____
- Número de leituras/célula: _____
- Tipo de Biblioteca: 3' Gene expression profile Fixed RNA profile

 DEL (DNA-Encoded Libraries)

- Especificações: _____
- Análisis Tagfinder: Sim Não

ANÁLISE BIOINFORMÁTICA (marcar todos os arquivos solicitados)

Genoma de referência: GRCh37/hg19 GRCh38/hg38 Outro: _____

Exomas e Genomas: FastQ Alinhamento Calling germinal Calling somático Calling germinal vs somático Anotação CNVs

Genomas: Outro: _____

Transcriptomas: FastQ Alinhamento e Tabela de contagem Análise expressão diferencial

INFORMAÇÃO DAS AMOSTRAS

Anexa-se um documento com uma tabela para preenchimento com os dados das amostras, exigindo-se no mínimo os códigos das amostras e a sua origem (sangue, tecido fresco, tumor, parafina, etc.)

CONDIÇÕES DE ENVIO DAS AMOSTRAS

DNAg ou RNA Total: O material de partida é DNA genómico ou RNA total (tratado com DNase), obtido de sangue periférico, tecido fresco congelado, tecidos embebidos em blocos de parafina (FFPE), saliva, linhas celulares, etc. A quantidade mínima de DNA ou RNA necessária depende do serviço solicitado, do projeto de investigação e do tipo e qualidade da amostra (consultar imasd@nimgenetics.com). Para o serviço RNA-seq polyA são necessárias amostras com valor de RIN de pelo menos 7. O DNAg pode ser enviado a temperatura ambiente (18-25°C), enquanto o envio de RNA deve ser feito em gelo seco, em recipiente isolado e no prazo máximo de 24 horas.

Medula óssea ou sangue periférico: 3 - 5 ml em tubo de EDTA ou Heparina dependendo do serviço solicitado (consulte imasd@nimgenetics.com). Envio à temperatura ambiente ou refrigerado (dependendo do serviço) no prazo máximo de 24 horas a partir da obtenção da amostra. **NÃO CONGELAR.**

Tecidos embebidos em parafina:

- Bloco de parafina de tecidos fixados em formaldeído. É necessário marcar a região do tumor no bloco e incluir um relatório e/ou lâmina do estudo anatomopatológico realizado. Nos casos em que apenas os blocos estão disponíveis, consulte imasd@nimgenetics.com.
- Cortes de parafina de tecidos fixados em formaldeído. Entre em contato com o laboratório para definir o número e a espessura dos cortes recomendados para cada abordagem. Recomenda-se incluir um relatório do estudo anatomopatológico realizado ou, na falta deste, indicar o tipo de tumor, o sexo do paciente e a percentagem de tecido tumoral do amostra enviada.

Envio à temperatura ambiente (18-25°C). Evitar a exposição dos blocos ou cortes a situações de alta temperatura, usando contentores refrigerados nos meses de verão. O estudo não poderá ser realizado em casos com amostra tumoral insuficiente no bloco/seção enviado ou naqueles casos em que o processamento e/ou fixação não preserva a qualidade da amostra.

Tecido fresco congelado: 25-50 mg (5-10 mm³) de tecido congelado em tubos do tipo Eppendorf e armazenado a -20°C. O envio é feito em gelo seco, em contentor isolado, no prazo máximo de 24 horas.

Single - cell: Para protocolos de 3' *Gene expression profile* é necessária uma suspensão celular livre de *debris* e *doublets*. A viabilidade celular deve ser de pelo menos 80%, com uma contagem de células viáveis na faixa de 700 a 1200 células/μl. A concentração máxima não deve exceder 2000 células/μl. É necessário pelo menos um volume de suspensão de células de 100 μl (10 μl para QC e duas tentativas de carregamento no chip). O tampão recomendado para suspensão de células é PBS/0,5% BSA. O tampão deve estar livre de EDTA e Mg⁺⁺, bem como de DNase, para ser compatível com o ensaio single-cell. Pode-se rever protocolos nesta ligação: [10X cell preparation guide](#). O envio das amostras deve ser realizado com gelo (4°C). Para mais detalhes e requerimentos de células fixadas, por favor contacte imasd@nimgenetics.com.

ENVIO DE AMOSTRAS

NIMGenetics
Avda. Isla Graciosa, 3 Pta. baja
San Sebastián de los Reyes
28703 Madrid
Tel. +34 91 037 83 54
M. +34 663 89 08 23

DEVOLUÇÃO DE AMOSTRAS

NIMGenetics procederá à **destruição** das amostras biológicas passados 6 meses desde a data de envio dos dados ao cliente.

Deseja que as amostras sejam devolvidas ao laboratório de origem após a conclusão do serviço?:

- Não
 Sim

O custo de envio das amostras ao laboratório de origem será de responsabilidade do solicitante.

DADOS DE FATURAÇÃO E FORMA DE PAGAMENTO

Entidade:	NIF/CIF:
Morada:	Assinatura autorizada
Pessoa autorizada:	
E-mail:	

DADOS BANCÁRIOS NIMGenetics

Banco Santander
N.º de CC - IBAN: ES53 0075 0436 7206 0013 4861
Titular da conta: NIMGENETICS, S.L.